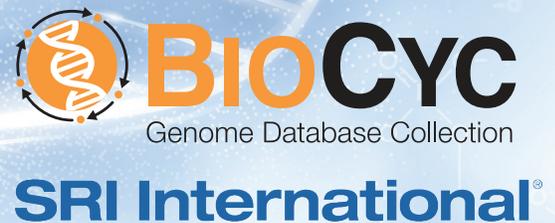


Colección de base de datos de BioCyc Genome

La información de la vía genética y metabólica está jugando un papel cada vez más importante en una amplia variedad de campos, desde ciencias de la salud hasta la producción de alimentos y la fabricación de productos químicos. Además, los avances en secuenciación y la tecnología informática permite generar esta información más rápido y en mayores cantidades.

Desarrollado por SRI International, originalmente Stanford Research Institute, y ahora disponible a través de la plataforma Ovid®, BioCyc es una colección de bases de datos con datos genéticos, de vías y otra información junto con herramientas de software integradas que se puede utilizar para navegar, buscar, analizar y visualizar. Ideal para la enseñanza, la investigación y el desarrollo clínico o de productos, BioCyc acelera la ciencia en genética e ingeniería metabólica, descubrimiento de fármacos, diseño de vacunas y más.

Un punto de referencia único para información de la vía genética y metabólica y herramientas bioinformáticas para explorarlo



¿Por qué BioCyc?

- Inferencias computacionales, información de otras bases de datos y contenidos basados en la literatura de más de 130.000 publicaciones.
- Herramientas de software para visualizar, buscar, navegar analizar BioCyc y datos proporcionados por el usuario.
- Para la investigación y la educación en agricultura, bioquímica, bioinformática, biología, biotecnología, ingeniería química, descubrimiento de fármacos, ciencias de los alimentos, genómica, microbiología y otros campos
- Los usuarios potenciales incluyen pregraduados, posgraduados y estudiantes de escuelas profesionales, además desde investigadores posdoctorales hasta científicos experimentados e investigadores
- Datos enciclopédicos de más de 20.000 organismos de todos los dominios de la vida

Características clave:

- Más de 20 000 bases de datos centradas en organismos que cubren todos los dominios de vida; los de muchos modelos y organismos altamente estudiados han sido seleccionado con datos de más de 130.000 publicaciones. Cada base de datos contiene el genoma anotado del organismo, sus vías metabólicas, además de más información, incluyendo, para algunos, redes reguladoras
- Combina datos enciclopédicos con poderosas herramientas informáticas en un sólo recurso
- Los nuevos lanzamientos de ampliación ocurren dos veces al año.

BioCyc en el trabajo:

- Útil para la búsqueda de información, transcriptómica y análisis de datos de metabólica, estudios comparativos y modelado cuantitativo
- Incorpora fácilmente la bioinformática en programas de pregrado, posgrado y planes de estudios de escuelas profesionales (por ejemplo, medicina).
- Apoya a investigadores, científicos, ingenieros, desarrolladores de productos, profesores y estudiantes en una amplia gama de campos.
- Examina genomas y vías genómicas con gran detalle.
- Estudia cómo los cambios en el crecimiento celular impactan el envejecimiento y la enfermedad.
- Identifica nuevos enfoques para la prevención de enfermedades y el descubrimiento de nuevos medicamentos.

**Vea la página 2 para más detalles*

Colección de base de datos de BioCyc Genome

Bases de datos en la colección

Las bases de datos están organizadas en tres niveles, dependiendo de la cantidad de selección manual basada en la literatura que han recibido. Todas las bases de datos de organismos contienen datos importados de MetaCyc, la base de datos de BioCyc de vías metabólicas y de enzimas que cubren todos los dominios de la vida.

- **Las bases de datos de Nivel 1** han recibido al menos un año-persona de selección y, a menudo, muchos más. Incluyen MetaCyc y bases de datos para *Escherichia coli* (EcoCyc), humana (HumanCyc), *Arabidopsis thaliana* (AraCyc) y hongos (YeastCyc).
- **Las bases de datos de Nivel 2** han recibido hasta un año-persona de selección. Incluyen organismos de muchos modelos y otros organismos muy estudiados como *Bacillus subtilis*, *Agrobacterium tumefaciens*, *Salmonella enterica*, *Lactobacillus plantarum*, *Helicobacter pylori*, *Mycobacterium tuberculosis* y *Vibrio cholerae*.
- **Las bases de datos de Nivel 3** se generan completamente por programa ordenador.

Herramientas de software de bioinformática

- Centro único de herramientas fáciles de usar
- Disminuye la cantidad de paquetes que los usuarios deben aprender y que una organización debe apoyar
- Visualizaciones listas para publicación
- Capacidades de búsqueda sólidas
- Herramientas de análisis
- Herramientas de comparación
- SmartTables que permiten análisis complejos sin necesidad de programación

BioCyc en los cuidados de la salud y BioCyc en Salud y en biotecnología

- Los datos genómicos y genéticos brindan una imagen más completa de la salud del paciente: permiten una atención médica proactiva, no reactiva.
- Determine cómo los microorganismos interactúan con sus huéspedes para causar enfermedades.
- Determine qué cambios en la regulación normal del crecimiento celular explican el envejecimiento, el cáncer y otras enfermedades.
- Identifique los mecanismos moleculares básicos que controlan el crecimiento, la división y la diferenciación celular.
- Facilite el descubrimiento de nuevos fármacos a través de la selección y validación de objetivos basados en vías.
- Descubra cómo diseñar microbios para producir productos químicos de importancia industrial.

¡Solicite su prueba gratis hoy!

Contacte con madrid@ovid.com o ventaslatam@wolterskluwer.com para programar una prueba gratuita de BioCyc, ahora disponible a través de Ovid.